

Curriculum vitae

1. Informations personnelles

CLERISSI Camille

CRIOBE USR3278 EPHE-CNRS-UPVD, Université de Perpignan Via Domitia, 58 avenue Paul Alduy, 66860, Perpignan, France.

Laboratoire d'Excellence CORAIL « Les récifs coralliens face au changement global ».

camille.clerissi@ephe.psl.eu

Activité professionnelle : Maître de Conférences (Ecole Pratique des Hautes Etudes).

2. Formation

- 2009-2012** **Doctorat** « **Diversité et distribution des *Prasinovirus (Phycodnaviridae)* : influence des facteurs environnementaux et mécanismes évolutifs** », Université Pierre et Marie Curie, Observatoire Océanologique de Banyuls-sur-Mer.
- 2007-2009** **Master** « **Océanographie et Environnements marins** », spécialité « **Ecosystèmes côtiers** », Université Pierre et Marie Curie, Paris.
- 2003-2007** **Licence** « **Biologie des Organismes** », Université Montpellier 2.

3. Expérience professionnelle

Recherche

- Depuis 2018** **Maître de Conférences (Ecole Pratique des Hautes Etudes)**, CRIOBE USR3278 EPHE-CNRS-UPVD, Université de Perpignan Via Domitia.
- 2018** **Chercheur post-doctoral :** « **Analyses génomiques de l'holobionte *Acanthurus triostegus* à l'échelle du Pacifique** », avec S. Planes, CRIOBE USR3278 EPHE-CNRS-UPVD, Université de Perpignan Via Domitia.

2016-2017 Chercheur post-doctoral : « **Spécificité et stabilité des communautés microbiennes associées à l’huître creuse *Crassostrea gigas*** », avec E. Toulza et J. de Lorgeril, UMR 5244 CNRS-IFREMER-Université Montpellier 2, Université de Perpignan Via Domitia.

2013-2016 Chercheur post-doctoral : « **Analyses génomiques de l’adaptation au mutualisme des symbiotes de légumineuses : comparaison entre l’évolution expérimentale et naturelle** », avec E.P.C. Rocha à l’Institut Pasteur de Paris, et C. Masson-Boivin, UMR 2594/441 CNRS-INRA, INRA de Castanet-Tolosan.

2009-2012 Doctorat : « **Diversité et distribution des *Prasinovirus (Phycodnaviridae)* : influence des facteurs environnementaux et mécanismes évolutifs** », avec Y. Desdevises et N. Grimsley, UMR 7232 CNRS, Université Pierre et Marie Curie, Observatoire Océanologique de Banyuls-sur-Mer.

2009 Stage Master 2 : **Spécificité des *Prasinovirus* et coévolution avec leurs hôtes picophytoplanctoniques**, avec Y. Desdevises et N. Grimsley, UMR 7232 CNRS, Université Pierre et Marie Curie, Observatoire Océanologique de Banyuls-sur-Mer.

2008 Stage Master 1 : **Cycle de vie des bactériophages et physiologie des procaryotes associés aux coraux du récif de Tuléar (Madagascar)**, avec T. Bouvier, UMR 5119 CNRS, Université Montpellier 2.

2007 Stage volontaire d’un mois : **Diversité bactérienne de l’Etang de Thau**, avec T. Bouvier, UMR 5119 CNRS, Université Montpellier 2.

Enseignement

Responsable d’unités d’enseignements :

Introduction aux récifs coralliens : Hotspot de biodiversité, Master 1 PSL, Plateforme d’enseignement à distance MANEA.

Biodiversité, écologie, pêche et conservation les récifs coralliens, Master 2 PSL, Plateforme d’enseignement à distance MANEA.

Taxonomie et monitoring dans les récifs coralliens, Master 2 PSL, Plateforme d'enseignement à distance MANEA.

Analyse *in silico* des génomes, Master 1 PSL.

Participation à des unités d'enseignements :

Ecologie chimique marine, Master 2 UPVD, Université de Perpignan Via Domitia.

Interactions biologiques et communication chimique dans les récifs coralliens, Master 2 PSL.

Marqueurs moléculaires de la biodiversité, Master 2 PSL.

De la diversité biologique à l'écologie des populations, Licence SMD.

Quel littoral demain en France face aux changements climatiques? L'exemple du littoral de Mo'orea, Ecole d'été, PSL, Mo'orea.

MicroWorlds, Ecole d'été, Sorbonne Université, Observatoire Océanologique de Banyuls-sur-Mer.

4. Encadrement

- 2021** **Vagia Grounidou, stage de Master 1**, Master Langues étrangères appliquées, Université Montpellier 3. « Traduction de la plateforme en ligne MANEA ».
- 2021** **Ezinwoé Dagoh, stage de Master 1**, Master Gestion de l'information et de la documentation, Université Montpellier 3. « Inventaire des thèses et création d'une base de données pour la bibliothèque du CRIOBE ».
- 2020** **Clément David, stage de Master 2**, Master Biologie intégrative et physiologie, Sorbonne Université. Participation à l'encadrement avec Vaihiti Teaniniuraitemoana. « Deciphering the photophysiological responses of Symbiodiniaceae to thermal stress ».

- 2020** **Thomas Chataignier, stage de Master 1**, Master Biodiversité, Ecologie et Evolution, Université de Perpignan Via Domitia. « Diversité génomique des bactéries associées aux coraux ».
- 2019** **Claire L'Epine, stage de 1^{ère} année**, IUT Génie biologique, Université de Perpignan Via Domitia. « Diversité des bactéries associées aux hexacoralliaires ».
- 2017** **Formation interne de doctorants**, Université de Perpignan Via Domitia. « Analyses statistiques et multivariées des microbiotes ».
- 2017** **Erwan Harscouet, stage volontaire post-Licence 3**, Université de Montpellier. Participation à l'encadrement avec E. Toulza et G. Mitta. « Analyses statistiques et multivariées des communautés microbiennes ».
- 2014** **François Li, stage de Master 2**, Master Biotechnologie et Biologie des Plantes, Université de Bordeaux. Participation à l'encadrement avec D. Capela. « Analyse des changements métaboliques associés à l'évolution expérimentale de la bactérie phytopathogène *Ralstonia solanacearum* en symbiote de légumineuse ».
- 2012** **Manon Denjean, stage de Licence 2**, Ecole Supérieure de Biologie-Biochimie-Biotechnologies, Université Catholique de Lyon. Participation à l'encadrement avec Y. Desdevises. « Suivi de communautés de virus de microalgues par empreinte génétique ».
- 2011** **Jérémie Garnodier, stage de Licence 3**, Ecole Supérieure de Biologie-Biochimie-Biotechnologies, Université Catholique de Lyon. Participation à l'encadrement avec Y. Desdevises. « Mise au point d'une technique d'empreinte génétique de communautés de virus de microalgues ».

5. Comité de thèse

- 2020-2021** **Chloé Pozas-Schacre**, Ecole Pratique des Hautes Etudes. « Effets des macro-algues sur la médiation chimique et microbienne du recrutement corallien et le microbiome du corail ».
- 2020-2021** **Luc Dantan**, Université de Perpignan Via Domitia. « Caractérisation des effets immunomodulateurs de la microflore naturelle de l'huître *Crassostrea Gigas* et développement de probiotiques pour la conchyliculture ».
- 2018** **Pierre-Louis Stenger**, Université de la Polynésie française. « Plasticité et diversité chromatique chez l'huître perlière *Pinctada margaritifera* ».

6. Publications

Récapitulatif : 20 articles (dont 9 en tant que premier auteur).

1. Karsenti E, Acinas SG, Bork P, Bowler C, de Vargas C, Raes J, Sullivan MB, Arendt D, Benzoni F, Claverie J-M, Follows M, Gorsky G, Hingamp P, Iudicone D, Jaillon O, Kandels-Lewis S, Krzic U, Not F, Ogata H, Pesant S, Reynaud EG, Sardet C, Sieracki ME, Speich S, Velayoudon D, Weissenbach J, Wincker P, and the Tara Oceans Consortium (Abergel C, Arslan D, Audic S, Aury JM, Babic N, Beaufort L, Bittner L, Boss E, Boutte C, Brum J, Carmichael M, Casotti R, Chambouvet A, Chang P, Chica C, Clerissi C, Colin S, Cornejo-Castillo FM, Da Silva C, De Monte S, Decelle J, Desdevises Y, Dimier C, Dolan J, Duhaime M, Durrieu de Madron X, d'Ortenzio F, d'Ovidio F, Ferrera I, Garczarek L, Garet-Delmas MJ, Gasmi S, Gasol JM, Grimsley N, Heilig R, Ignacio-Espinoza J, Jamet JL, Karp-Boss L, Katinka M, Khalili H, Kolber Z, Le Bescot N, Le Goff H, Lima-Mendez G, Mahé F, Mazzocchi MG, Montresor M, Morin P, Noel B, Pedrós-Alió C, Pelletier E, Perez Y, Picheral M, Piganeau G, Poirot O, Poulain J, Poulton N, Prejger F, Prihoda J, Probert I, Rampal J, Reverdin G, Romac S, Romagnan JB, Roullier F, Rouviere C, Samson G, Santini S, Sarmiento H, Sciandra A, Solonenko S, Stemmann L, Subirana L, Sunagawa S, Tanaka A, Testor P, Thompson A, Tichanné-Seltzer V, Tirichine L, Toulza E, Tozzi S,

- Veluchamy A, Zingone A). 2011. A holistic approach to marine eco-systems biology. *PLoS Biology*, 9 (10):e1001177. doi:10.1371/journal.pbio.1001177.
2. Clerissi C, Desdevises Y, Grimsley N. 2012. Prasinoviruses of the marine green alga *Ostreococcus tauri* are mainly species-specific. *Journal of Virology*, 86 (8): 4611. doi:10.1128/JVI.07221-11.
 3. Clerissi C, Grimsley N, Desdevises Y. 2013. Genetic exchanges of inteins between prasinoviruses. *Evolution*, 67 (1): 18-33. doi:10.1111/j.1558-5646.2012.01738.x.
 4. Hingamp P, Grimsley N, Acinas SG, Clerissi C, Subirana L, Poulain J, Ferrera I, Sarmiento H, Villar E, Lima-Mendez G, Faust K, Sunagawa S, Claverie J-M, Moreau H, Desdevises Y, Bork P, Raes J, de Vargas C, Karsenti E, Kandels-Lewis S, Jaillon O, Not F, Pesant S, Wincker P, Ogata H. 2013. Exploring nucleo-cytoplasmic large DNA viruses in *Tara Oceans* microbial metagenomes. *The ISME Journal*, doi:10.1038/ismej.2013.59.
 5. Clerissi C, Grimsley N, Ogata H, Hingamp P, Poulain J, Desdevises Y. 2014. Unveiling of the diversity of prasinoviruses (*Phycodnaviridae*) in marine samples by using high-throughput sequencing analyses of PCR-amplified DNA polymerase and Major Capsid Protein genes. *Applied and Environmental Microbiology*, 80(10): 3150-3160. doi:10.1128/Aem.00123-14.
 6. Bellec L, Clerissi C, Edern R, Foulon E, Simon N, Grimsley N, Desdevises Y. 2014. Cophylogenetic interactions between marine viruses and eukaryotic picophytoplankton. *BMC Evolutionary Biology*, 14: 59. doi:10.1186/1471-2148-14-59.
 7. Clerissi C, Grimsley N, Subirana L, Maria E, Oriol L, Ogata H, Moreau H, Desdevises Y. 2014. *Prasinovirus* distribution in the Northwest Mediterranean Sea is affected by the environment and particularly by phosphate availability. *Virology*, doi:10.1016/j.virol.2014.07.016.
 8. Remigi P, Capela D, Clerissi C, Tasse L, Torchet R, Bouchez O, Batut J, Cruveiller S, Rocha EPC, Masson-Boivin C. 2014. Transient hypermutagenesis accelerates the evolution of legume endosymbionts following horizontal gene transfer. *PLoS Biology*, doi:10.1371/journal.pbio.1001942.

9. Clerissi C, Desdevises Y, Romac S, Audic S, de Vargas C, Acinas SG, Casotti R, Poulain J, Wincker P, Hingamp P, Ogata H, Grimsley N. 2015. Deep sequencing of amplified *Prasinovirus* and host green algal genes from an Indian Ocean transect reveals interacting trophic dependencies and new genotypes. *Environmental Microbiology Reports*, 7 (6): 979-989. doi:10.1111/1758-2229.12345.
10. Marchetti M, Clerissi C, Yousfi Y, Gris C, Bouchez O, Rocha EPC, Cruveiller S, Jauneau A, Capela D, Masson-Boivin C. 2017. Experimental evolution of rhizobia may lead to either extra- or intracellular symbiotic adaptation depending on the selection regime. *Molecular Ecology*, doi:10.1111/mec.13895.
11. Capela D, Marchetti M, Clerissi C, Perrier A, Guetta D, Gris C, Valls M, Jauneau A, Cruveiller S, Rocha EPC, Masson-Boivin C. 2017. Recruitment of a lineage-specific virulence regulatory pathway promotes intracellular infection by a plant pathogen experimentally evolved into a legume symbiont. *Molecular Biology and Evolution*, 34 (10): 2503-2521. doi:10.1093/molbev/msx165.
12. Brener-Raffalli K, Clerissi C, Vidal-Dupiol J, Adjeroud M, Bonhomme F, Pralong M, Aurelle D, Mitta G, Toulza E. 2018. Thermal regime and host clade, rather than geography, drive *Symbiodinium* and bacterial assemblages in the scleractinian coral *Pocillopora damicornis sensu lato*. *Microbiome*, 6: 39. doi:10.1186/s40168-018-0423-6.
13. Mouahid G, Clerissi C, Allienne J-F, Chaparro C, Yafae SA, Nguéma RM, Ibikounlé M, Moné H. 2018. The phylogeny of the genus *Indoplanorbis* (Gastropoda, Planorbidae) from Africa and the French West Indies. *Zoologica Scripta*, doi:10.1111/zsc.12297.
14. Clerissi C, Touchon M, Capela D, Tang M, Cruveiller S, Genthon C, Lopez-Roques C, Parker MA, Moulin L, Masson-Boivin C, Rocha EPC. 2018. Parallels between experimental and natural evolution of legume symbionts. *Nature Communications*, doi:10.1038/s41467-018-04778-5.
15. Clerissi C, Brunet S, Vidal-Dupiol J, Adjeroud M, Lepage P, Guillou L, Escoubas J-M, Toulza E. 2018. Protists within corals: the hidden diversity. *Frontiers in Microbiology*, doi:10.1038/s41467-018-04778-5.

16. De Lorgeril J, Lucasson A, Petton B, Toulza E, Montagnani C, Clerissi C, Vidal-Dupiol J, Chaparro C, Galinier R, Escoubas J-M, Haffner P, Degremont L, Charrière GM, Lafont M, Delort A, Vergnes A, Chiarello M, Faury N, Rubio TP, Leroy M, Pérignon A, Régler D, Morga B, Alumno-Bruscia M, Boudry P, Le Roux F, Destoumieux-Garzón D, Gueguen Y, Mitta G. 2018. Immune-suppression by OsHV-1 viral infection causes fatal bacteremia in Pacific oysters. *Nature Communications*, doi:10.1038/s41467-018-06659-3.
17. Barnier C, Clerissi C, Lami R, Intertaglia L, Lebaron P, Grimaud R, Urios L. 2020. Description of *Palleronia rufa* sp. nov., a biofilm-forming and AHL-producing *Rhodobacteraceae*, reclassification of *Hwanghaeicola aestuarii* as *Palleronia aestuarii* comb. nov., *Maribius pontilimi* as *Palleronia pontilimi* comb. nov., *Maribius salinus* as *Palleronia salina* comb. nov., *Maribius pelagius* as *Palleronia pelagia* comb. nov. and emended description of the genus *Palleronia*. *Systematic and Applied Microbiology*, doi:10.1016/j.syapm.2019.126018.
18. Huot C, Clerissi C, Gourbal B, Galinier R, Duval D, Toulza E. 2020. Schistosomiasis vector snails and their microbiota display a phyllosymbiosis pattern. *Frontiers in Microbiology*, 10 : 3092. doi: 10.3389/fmicb.2019.03092.
19. Clerissi C, de Lorgeril J, Petton B, Lucasson A, Escoubas J-M, Gueguen Y, Dégremont L, Mitta G, Toulza E. 2020. Microbiota composition and evenness predict survival rate of oysters confronted to Pacific Oyster Mortality Syndrome. *Frontiers in Microbiology*, 11: 311. doi: 10.3389/fmicb.2020.00311.
20. Clerissi C, Guillou L, Escoubas J-M, Toulza E. 2020. Unveiling protist diversity associated with the Pacific oyster *Crassostrea gigas* using blocking and excluding primers. *BMC Microbiology*, 20: 193. doi.org/10.1186/s12866-020-01860-1.

7. Communications

Récapitulatif : 7 communications orales, 8 communications affichées.

En tant que premier auteur avec sélection pour une présentation orale :

1. Clerissi C, Grimsley N, Desdevises Y. Specificity, evolution, diversity and distribution of prasinoviruses. Présentation orale aux *Journées du Centre des Sciences de la Mer et des Doctorants de l'Université Pierre et Marie Curie*, Les Cordeliers, Paris, France, 12-15 sept. 2011 (*Chairman* pour la session Physiologie et Adaptation).
2. Clerissi C, Grimsley N, Desdevises Y. Specificity and genetic exchanges of inteins between Prasinoviruses. Présentation orale au *Aquatic Virus Workshop 6 (AVW6)*, Texel, Pays-Bas, 30 oct.-3 nov. 2011.
3. Clerissi C, Grimsley N, Desdevises Y. Diversity and distribution of prasinoviruses. Présentation orale à l'*Association Francophone d'Ecologie Microbienne (AFEM)*, Hammamet, Tunisie, 14-16 nov. 2011.
4. Clerissi C, Torchet R, Cruveiller S, Capela D, Gris C, Rocha EPC, Masson-Boivin C. Genomics of adaptation during experimental evolution of a plant pathogen into a legume symbiont. Présentation orale aux *11^{ème} Rencontres Plantes-Bactéries*, Aussois, France, 3-7 fév. 2014.
5. Clerissi C, Capela D, Marchetti M, Torchet R, Cruveiller S, Gris C, Rocha EPC, Masson-Boivin C. Omics of endosymbiosis adaptation during experimental evolution of legume symbionts. Présentation orale au *Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB)*, Lausanne, Suisse, 10-14 août 2015.
6. Clerissi C, de Lorgeril J, Petton B, Lucasson A, Escoubas J-M, Gueguen Y, Mitta G, Toulza E. Deciphering links between oyster fitness and microbial composition. Présentation orale au *Interdisciplinary Workshop on Holobionts*, Bordeaux, France, 6-8 nov. 2017.

En tant que conférencier invité pour une présentation orale :

7. Clerissi C. Interactions entre micro- et macro-organismes. Présentation orale aux *Journées des Doctorant.e.s de l'Observatoire Océanologique de Banyuls-sur-Mer*, Banyuls-sur-Mer, 19 oct. 2021.

En tant que premier auteur avec sélection pour une communication affichée :

8. Clerissi C, Grimsley N, Desdevises Y. Caractérisation de la spécificité des virus d'*Ostreococcus tauri*. Poster présenté à l'*Association Francophone d'Ecologie*

Microbienne (AFEM), Les interactions microbiennes passées et présentes, Marseille, France, 4-5 mai 2010.

9. Clerissi C, Grimsley N, Desdevises Y. Strain specificity of *Ostreococcus tauri* viruses. Poster présenté à *Viruses of microbes*, Institut Pasteur, Paris, France, 21-25 juin 2010.
10. Clerissi C, Grimsley N, Desdevises Y. Genetic exchanges of inteins between Prasinoviruses. Poster présenté à *Alphy Meeting (Alignment and Phylogeny)*, Observatoire Océanologique de Banyuls-sur-Mer, France, 19-21 mars 2012.
11. Clerissi C, Subirana L, Moreau H, Ogata H, Grimsley N, Desdevises Y. Diversity and distribution of prasinoviruses at a large geographical scale. Poster présenté à *Viruses of Microbes*, Bruxelles, Belgique, 16-20 juil. 2012.
12. Clerissi C, Torchet R, Cruveiller S, Capela D, Gris C, Rocha EPC, Masson-Boivin C. Genomics of adaptation during experimental evolution of legume symbionts. Poster présenté aux *Journées Ouvertes en Biologie, Informatique et Mathématiques (JOBIM)*, Toulouse, France, 1-4 juil. 2013.
13. Clerissi C, Torchet R, Cruveiller S, Capela D, Gris C, Rocha EPC, Masson-Boivin C. Genomics of adaptation during experimental evolution of legume symbionts. Poster présenté au *Congress of the European Society for Evolutionary Biology (ESEB)*, Lisbonne, Portugal, 19-24 août 2013.
14. Clerissi C, Torchet R, Cruveiller S, Capela D, Gris C, Rocha EPC, Masson-Boivin C. Genomics of adaptation during experimental evolution of legume symbionts. Poster présenté au *3rd Meeting on Molecular Mechanisms in Nitrogen fixing Root Endosymbioses*. Montpellier, France, 26-27 sept. 2013.
15. Clerissi C, Petton B, Escoubas J-M, Gueguen Y, Mitta G, De Lorgeril J, Toulza E. Specificity and stability of microbial communities associated to healthy and diseased *Crassostrea gigas* oysters. Poster présenté à *International Conference on Holobionts*, Paris, France, 19-21 avril 2017.

Autres congrès, séminaires ou workshops :

16. Participation à *Phylogénie des communautés (PhyloCom)*, Montpellier, France, 3 mai 2010.

17. Participation à *Journée biodiversité et bioinformatique*, Maison des sciences de l'Homme, Grenoble, France, 29 juin 2011.
18. Participation au *5^{ème} microbiotoul*. Toulouse, France, 21-22 oct. 2013.
19. Participation aux *Journées annuelles de la société française de systématique, Méthodes phylogénétiques comparatives: comment parler du process à partir du pattern?* Banyuls-sur-Mer, France, 25-27 oct. 2017.
20. Participation à *Integrated immunity in holobionts*. Montpellier, France, 15-16 oct. 2018.

8. Compétences

Récapitulatif : Séquençage à haut-débit (metabarcoding, métagénomique, génomique, transcriptomique), bioinformatique (bash, python), biostatistiques, analyses multivariées, phylogénie (reconstruction et utilisation : scénarii évolutifs), microbiologie (bactéries, protistes, virus).

Analyses de données

Analyse de séquences issues du séquençage à haut débit : analyse de génomique fonctionnelle et des populations (coregenome et pangenome, polymorphismes, BLAST, profils HMM, catégories COG et métaboliques (KEGG et Metacyc)), analyse transcriptomique (analyse des différences d'expression, liens avec des traits phénotypiques quantitatifs), analyse de communautés à l'aide de gènes marqueurs (ampliconnoise pour le nettoyage des séquences ; mothur, Qiime, FROGS pour définir les unités taxonomiques opérationnelles (OTU) et les annotations taxonomiques ; Tax4Fun pour les annotations fonctionnelles).

Analyse de séquence et évolution moléculaire : alignement et recherche de polymorphismes (mafft, muscle, Seaview, EMBOSS), analyse de recombinaisons (PHI, ClonalFrameML), signature de sélection (codeml), transfert latéraux de gènes (SH), évolution *in silico* de génomes, reconstructions phylogénétiques par inférence bayésienne

(MrBayes) et maximum de vraisemblance (PhyML, IQ-TREE), analyses cophylogénétiques (ParaFit, TreeMap, Jane), reconstructions de scénarii évolutifs de pertes, gains, duplications de gènes (COUNT).

Biostatistique : tests paramétriques et non-paramétriques, approches par permutations, modèles linéaires, analyses multivariées (test de Mantel, analyse en composantes principales, analyse factorielle des correspondances, analyse canonique des correspondances, analyse de redondance, analyse linéaire discriminante, régression des moindres carrés partiels, MANOVA). Utilisation des logiciels R, xlstat et JMP pour l'analyse des données.

Langages : Unix, R, notions de programmation en python, travail sur cluster de calculs.

Expérimentales

Biologie moléculaire : extraction d'ADN et d'ARN (huîtres, filtres), réaction en chaîne par polymérase (PCR), élaboration d'amorces spécifiques et bloquantes pour du séquençage Sanger et à haut débit (454-Titanium, Illumina).

Echantillonnage: missions à bord de la goélette *Tara* (projet *Tara-Océans* et *Tara-Pacific*) et prélèvement dans divers étangs méditerranéens, filtration, isolement et mise en culture de micro-organismes et de virus environnementaux, purification de virus environnementaux, estimation des caractéristiques physico-chimiques, dissection de poissons.

Culture *in vitro*: culture de micro-organismes (bactéries, protistes, virus), physiologie microbienne (respiration, intégrité membranaire), phénotypes microbien à haut débit (Omnilog, Biolog).

Imagerie: cytométrie en flux, microscopie à épifluorescence, hybridation *in situ* en fluorescence (FISH).

Langues

Français (langue maternelle), Espagnol et Anglais (lu, parlé et écrit).

Plongée Certificat d'aptitude à l'hyperbarie, mention B classe 1.

9. Formation continue

- 2021** **Répondre à un appel à projet de recherche (6h).** Responsable : Bruno Veron. CNRS Délégation Paris-Centre, Paris.
- 2020** **Conduire un projet : les fondamentaux (13h).** Responsable : Philippe Laborie. CNRS IN2P3.
- 2020** **Les fondamentaux de la conduite de réunion (7h).** Responsable : Anne-Sophie Lefebvre. Préfecture des Pyrénées-Orientales.
- 2020** **Certificat d'aptitude à l'hyperbarie, mention B classe 1 (70h).** Ecole Nationale des Scaphandriers, Fréjus.
- 2019** **La pédagogie par projet (5h).** Programme de pédagogie universitaire, Responsable : Stéphan Lédé. Université de Perpignan Via Domitia.
- 2018-2019** **Pratiques pédagogiques (30h).** MOOC de FUN « Se former pour enseigner dans le supérieur ». Ecole interne PSL Université.
- 2018-2019** **Pratiques pédagogiques (12h).** Ecole interne PSL Université.
- 2018** **Formation France Génomique : Calcul Haute Performance au TGCC/CCRT appliqué aux données génomiques (13h).** Responsables : A. Kourlaiev et N. Wiart, TGCC du CEA, Bruyères-le-Châtel.
- 2014** **Analyse de transcriptomes et détection de transferts horizontaux (8h).** Responsable : S. Carrere, L. Legrand, et E. Sallet, INRA de Castanet-Tolosan.
- 2014** **Programmation en Python (21h).** Responsable : J. Delamarche, INRA de Castanet-Tolosan.

- 2013** **Analyse de données : génomes et transcriptomes (8h).**
Responsables : S. Carrere, L. Legrand, et L. Cottret, INRA de Castanet-Tolosan.
- 2013** **Bioinformatique par la pratique : initiation à Python (8h).**
Responsables : F. Samson et S. Dérozier, INRA de Jouy-en-Josas.
- 2011** **Unix et utilisation du pôle de calcul de l'Université Pierre et Marie Curie (12h).** Responsable : M. Krawczyk, Observatoire Océanologique de Banyuls-sur-Mer.
- 2011** **Marine Ecological and Evolutionary Genomics (84h).** Marine genomics 4 Users. Responsable : J. Collen, Station Biologique de Roscoff.
- 2011** **Formation bioinformatique « Next Generation Sequencing » (17h).** Plateforme Bioinformatique Genotoul, Unité BIA, INRA Toulouse. Responsables : J. Mariette et C. Noirot, Lieu de la formation : Observatoire Océanologique de Banyuls-sur-Mer.
- 2009** **Unité d'enseignement « Analyse du génome » (30h).** Responsable : F. Sabot, Université de Perpignan Via Domitia.

10. Financements

- 2021-2022** **Financement sur projet (porteur) de l'appel du LabEx Corail** pour le projet « HOPODA : Réponses de l'holobionte *Pocillopora damicornis* au changement saisonnier » (20 k€).
- 2020** **Financement sur projet des appels RESIPOL et Pacific Funds** pour le projet « BLEACH&ALAN : Impacts du blanchissement et de la pollution lumineuse artificielle sur l'anémone hôte et leurs symbiotes » (80 k€), porteur : Suzanne Mills.
- 2020** **Financement sur projet (porteur) de l'appel Actions Ponctuelles de l'EPHE** pour le projet « DIVCOR : Diversité du microbiome des

coraux scléactiniaires de l'île de Mo'orea (Polynésie française) » (3,5 k€).

- 2019-2020** **Financement sur projet de l'appel du LabEx Corail** pour le projet « PHYTOBIOSE: Les phytohormones, acteurs clés de la symbiose chez les organismes récifaux » (20 k€), porteur : Vaihiti Teaniniuraitemoana.
- 2019** **Financement sur projet de l'appel PEPS-INEE Défi Plastiques et micro-plastiques en milieux aquatiques** pour le projet « PLASTICOR : Effets des microplastiques d'origine perlicole sur les organismes clés de l'écosystème corallien (poissons, coraux et huîtres perlières) » (30 k€), porteur : David Lecchini.
- 2019** **Financement sur projet (porteur) de l'appel PEPS-INEE ECOMOB (Ecologie des mobilités)** pour le projet « RHIZINV : Rhizosphère de la plante invasive *Miconia calvescens* en Polynésie française » (15 k€).
- 2019** **Financement sur projet (porteur) de l'appel EMBRC-France Découverte** pour le projet « TRICNIDA : tri cellulaire des microbiotes de cnidaires » (13 k€).
- 2017** **Financement sur projet (porteur) du défi « Dynamique de l'holobionte et fitness » de l'UMR 5244 (CNRS-IFREMER-Université Montpellier 2-Université de Perpignan Via Domitia)** pour le projet « PASEO : Protistes au sein des microbiotes » (5,5 k€).
- 2009-2012** **Financement sur projet du fond AXA pour la recherche** pour la thèse de doctorat « Diversité et distribution des *Prasinovirus (Phycodnaviridae)* : influence des facteurs environnementaux et mécanismes évolutifs », (120 k€).

11. Collaborations

CEA Génoscope, Evry : S. Cruveiller, C. Médigue, J. Poulain, R. Torchet, P. Wincker.

Centre IFREMER du Pacifique : J. Fievet, J. Le Luyer, D. Saulnier, V. Teaniniuraitemoana.

CRIOBE : I. Bonnard, D. Lecchini, S. Mills, M. Nugues.

Génome Québec, Montréal : S. Brunet, P. Lepage.

INRAE, Castanet-Tolosan : D. Capela, M. Marchetti, C. Masson-Boivin.

Institut de Ciències del Mar, Barcelone, Espagne : S. Acinas.

Institut Pasteur, Paris : E. Rocha.

Institute of Chemical Research, Kyoto, Japon : H. Ogata.

IRD : M. Adjeroud.

Observatoire Océanologique de Banyuls-sur-Mer : Y. Desdevises, R. Lami.

Station biologique de Roscoff : S. Audic, C. de Vargas, L. Guillou, S. Romac.

Stazione Zoologica, Naples, Italie : R. Casotti.

Université Aix-Marseille : P. Hingamp.

Université de Montpellier : J. de Lorgeril, J.-M. Escoubas, Y. Gueguen, J. Vidal-Dupiol.

Université de Pau : R. Grimaud, L. Urios.

Université de Perpignan Via Domitia : G. Mitta, H. Mone, G. Mouahid, E. Toulza.

12. Administration et responsabilités collectives

2021 **Responsable de l'organisation de la semaine évènementielle pour les 50 ans du CRIOBE, Université de Perpignan Via Domitia.**

Depuis 2019 **Membre du comité de pilotage de la plateforme Bio-Environnement, Université de Perpignan Via Domitia.**

Depuis 2019 **Responsable de la bibliothèque du CRIOBE, Université de Perpignan Via Domitia.**

2018-2020

**Coordinateur de l'animation scientifique, CRIOBE, Université de
Perpignan Via Domitia.**